



روند ژنتیکی و فنتوپی نمره سلول های بدنی و تعیین عوامل محیطی موثر بر آن در گاو های هلشتاین ایران

هادی فرجی آروق^{۱*}- علی اصغر اسلامی نژاد^۲- محمد رکووعی^۳

تاریخ دریافت: ۸۹/۱۲/۲۲

تاریخ پذیرش: ۹۰/۱۰/۱۳

چکیده

هدف از این تحقیق برآورد روند ژنتیکی و فنتوپی نمره سلول های بدنی (SCS) و بررسی اثر عوامل محیطی بر این صفت در گاوهای هلشتاین ایران بود. در این مطالعه از تعداد ۳۷۵۳۵۰ رکورد روزآزمون شمار سلول های بدنی مربوط به ۵۴۳۷۴ حیوان که توسط مرکز اصلاح نژاد دام کشور بین سال های ۱۳۸۱ تا ۱۳۸۶ رکوردداری شده بود، استفاده شد. ارزش های اصلاحی حیوانات توسط مدل حیوانی با استفاده از نرم افزار ASReml پیش-بینی گردید. روند ژنتیکی و فنتوپی، با استفاده از تابعیت میانگین ارزش های اصلاحی و فنتوپی بر سال زایش برآورد شد. برآورد روند ژنتیکی، فنتوپی و تاثیر عوامل محیطی بر SCS با استفاده از نرم افزار SAS محاسبه شد. وراثت پذیری، روند ژنتیکی و فنتوپی به ترتیب 0.009 ± 0.002 ، 0.082 ± 0.002 و 0.224 ± 0.003 برابر شد. تفاوت روند ژنتیکی با صفر معنی دار بود اما تفاوت معنی داری برای روند فنتوپی مشاهده نشد. عوامل گله، سال زایش، اثرات متقابل گله - سال زایش، گله - فصل، سال زایش - فصل زایش معنی دار بود اما اثر فصل زایش و سن زایش برای این صفت معنی دار نبود.

واژه های کلیدی: روند ژنتیکی و فنتوپی، عوامل محیطی، نمره سلول های بدنی

مقدمه

۱۰ درصد است. با این وجود بهتر است، انتخاب برای شمار سلول های بدنی کمتر، با هدف بهبود ژنتیکی برای کل شایستگی اقتصادی در برنامه های اصلاحی گنجانده شود (۳). متوسط شمار سلول های بدنی برای گاوهای هلشتاین بدون ورم پستان بالینی در حدود ۲۰۰۰۰۰ سلول در هر میلی لیتر شیر گزارش شده است (۵ و ۱۸). بر اساس گزارشات شوک و اسکوتو درصد گاوهای حذفی به واسطه داشتن متوسط بالای شمار سلول های بدنی، بالاتر از ۳۰ درصد است (۲۲). به بیان دیگر شناس حذف یک گاو با متوسط شمار سلول های بدنی بالاتر از ۷۰۰۰۰۰ سلول در هر میلی لیتر شیر ۳/۴ برابر بیشتر از گاوهایی با متوسط شمار سلول های بدنی بین ۲۰۰۰۰ تا ۲۵۰۰۰ است.

متوسط شمار سلول های بدنی برای گاوهای هلشتاین مکزیک ۸۵۱۱ سلول در هر میلی لیتر شیر و وراثت پذیری ۰/۱۱ گزارش شده است (۱۳). اودگارد و همکاران (۱۵)، متوسط نمره سلول های بدنی دوره شیردهی^۵ و وراثت پذیری را برای گاوهای هلشتاین به

تولید شیر مهم ترین منبع درآمد برای دامپروران است و گاوهای با تولید بالا سودآوری بیشتری دارند (۶). با این حال تولید بالا با مشکلات تولید مثل و کاهش سلامتی حیوان در ارتباط است (۲۳). به علت همبستگی ژنتیکی منفی بین تولید شیر و مقاومت به ورم پستان، مقاومت به ورم پستان برای گله های گاوهای شیری که به شدت تحت تأثیر انتخاب برای تولید بالا هستند، افت کرده است (۱۲). بیماری ورم پستان در گله های گاو شیری پر هزینه است و افزایش شیوع آن خسارات زیادی برای تولید کنندگان به بار می آورد (۴ و ۱۶). شمار سلول های بدنی^۴ نشانگر مناسبی برای میزان مقاومت به بیماری ورم پستان است. وراثت پذیری صفت شمار سلول های بدنی در حدود

۱- دانشجوی دکتری و استادیار گروه علوم دامی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه فردوسی مشهد

۲- نویسنده مسئول: (Email: hadifaraji.um@gmail.com)
۳- استادیار گروه علوم دامی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه زابل

قرار گرفت.

$$LSCS = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n \left(\log_e \left(\frac{SCS}{1000} \text{ cells/ml} \right) \right)$$

در این فرمول، n شمار رکوردهای روز آزمون برای هر حیوان است.
(۱۴).

مشخصات مربوط به داده‌های مورد استفاده در جدول ۱ ارائه شده است.

جدول ۱- آماره‌های توصیفی داده‌های شمار سلولهای بدنی

| | |
|--------|---------------------|
| ۳۷۵۳۵۰ | تعداد رکوردها |
| ۵۴۳۷۴ | تعداد حیوانات |
| ۱۵۶۱ | تعداد نرها |
| ۲۸۷ | تعداد گله‌ها |
| ۲۳۹ | متوسط نتاج هر پدر |
| ۹۶۹ | سطوح گله - سال زایش |
| ۱۰۵۰ | سطوح گله - فصل زایش |
| ۲۴ | سطوح سال - فصل زایش |
| ۱۰/۱۷۲ | LSCS |
| ۲/۳۴۹ | انحراف معیار |

برآورد اثر عوامل محیطی بر روی نمره سلولهای بدنی توسط مدل آماری زیر توسط روش GLM در نرم افزار SAS بررسی شدند.
 $y_{ijkl} = \mu + H_i + Y_j + S_k + A_l + HY_{ij} + HS_{jk} + e_{ijklm}$
 در فرمول فوق، بردار y رکوردهای میانگین نمره سلولهای بدنی حیوان، H_i اثر گله - سال زایش، Y_j اثر سال زایش (۶ سطح)، S_k اثر فصل زایش (۴ سطح)، A_l اثر سن زایش، HY_{ij} اثر متقابل گله - سال زایش، HS_{jk} اثر متقابل گله - فصل زایش و YS_{jk} اثر متقابل سال زایش - فصل زایش و e_{ijklm} اثرات باقیمانده است.
 برای برآورد وراثت پذیری و روند ژنتیکی از مدل حیوانی زیر استفاده شد.

$$y = Xb + Za + e$$

در مدل فوق y ، میانگین نمره سلولهای بدنی حیوان، b بردار اثرات ثابت (گله - سال - فصل زایش)، a بردار اثر ژنتیکی افزایشی حیوان، X به ترتیب ماتریس‌های ضرایب ارتباط دهنده مشاهدات به سطوح عوامل ثابت و تصادفی هستند و e بردار آثار باقیمانده است. مولفه‌های واریانس و ارزش‌های اصلاحی بر اساس مدل فوق با استفاده از نرم افزار ASReml محاسبه گردید. روند ژنتیکی و فنوتیپی از طریق تابعیت میانگین ارزش‌های اصلاحی و فنوتیپی بر سال زایش توسط نرم افزار SAS برآورد شد (۱۹ و ۸).

نتایج و بحث

نتایج آنالیز واریانس برای نمره سلولهای بدنی در جدول ۲ ارائه

ترتیب ۱۱/۴ و ۱۱/۰ گزارش کردند. روند ژنتیکی برای نمره سلول - های بدنی گاوهای هلشتاین کاهاشی بوده و -۰/۰۲۶ به ازای هر سال گزارش شد. اثر گله، سن و اثر متقابل ماین گله و سال بر روی شمار سلولهای بدنی گاوهای هلشتاین تonus معنی‌دار مشاهده شده است. با وجود اینکه فصل تاثیر معنی‌دار بر این صفت نداشت، مشاهده شد که شمار سلولهای بدنی در فصل تابستان بیشتر است (۱۷).
 قوی حسن زاده و اردلان (۹)، متوسط نمره سلولهای بدنی برای گاوهای هلشتاین ایران را $4/64 \pm 0/94$ گزارش کردند. وراثت پذیری برای نمره سلولهای بدنی گاوهای هلشتاین ایران در دامنه $0/04 - 0/08$ گزارش شده است (۱، ۲ و ۹).

با توجه به اهمیت شمار سلولهای بدنی در تشخیص ورم پستان و زیان‌های اقتصادی آن در بخش دامپروری، در این تحقیق، برآورد وراثت پذیری شمار سلولهای بدنی، برآورد روند ژنتیکی و فنوتیپی نمره سلولهای بدنی و نحوه اثر عوامل محیطی بر روی نمره سلول - های بدنی گاوهای هلشتاین مدنظر قرار می‌گیرد.

مواد و روش‌ها

از ۵۳۶۷۶۱ رکورد روز آزمون دوره اول شیردهی مربوط به شمار سلولهای بدنی که طی سال‌های ۱۳۶۸ تا ۱۳۸۵ توسط مرکز اصلاح نژاد دام کشور ثبت شده بود، برای برآورد روند ژنتیکی، فنوتیپی و تعیین اثرات عوامل محیطی بر روی نمره سلولهای بدنی استفاده شد. تصحیحات مربوط به رکوردها بر اساس آنچه که توسط اودگارد و همکاران (۱۴)، زهنگ و همکاران (۲۴)، رینتس و همکاران (۱۶)، و دروت و همکاران (۷)، ارائه شده است، انجام گرفت. براساس پیشنهاد این محققین، گله‌هایی با کمتر از ۷۲ رکورد روز آزمون حذف و حیوانات با بیش از ۴ رکورد روز آزمون نگه داشته شدند. همچنین رکوردهای بین ۴ تا ۳۰۵ روز و سن ۱۸ تا ۳۶ ماه در نظر گرفته شدند. بعد از انجام تصحیحات، تعداد رکوردها به ۳۷۵۳۵۰ رکورد که مربوط به سالهای ۱۳۸۱ تا ۱۳۸۶ بودند کاهش یافتند. این رکوردها مربوط به ۵۴۳۷۴ حیوان از ۱۵۶۱ گاو نر و ۴۲۶۵۴ گاو ماده بودند که از ۲۸۷ گله جمع آوری شده بودند. برای نرمال کردن توزیع رکوردهای روز آزمون، شمار سلولهای بدنی^۱ تبدیل لگاریتمی شده و به صورت زیر به نمره سلولهای بدنی^۲ تغییر داده شدند (۲۱).

$$SCS = Log_e(SCC/1000Cells/ml) + 3$$

در فرمول بالا SCS نمره سلولهای بدنی و SCC شمار سلولهای بدنی است. میانگین نمره سلولهای بدنی برای هر دوره شیردهی (LSCS) حیوان به صورت زیر محاسبه و برای تجزیه و تحلیل مورد استفاده

1- Somatic Cell Count

2-Somatic cell score

شده و باعث افزایش نمره سلولهای بدنی می شود (۳). در تحقیقات ریتتس و همکاران (۱۶)، و رکیک و همکاران (۱۵)، مشاهده شد که اثر فصل بر روی شمار سلولهای بدنی غیر معنی دار بود اما فصل تابستان بیشترین میانگین شمار سلول های بدنی را داشت. بیشترین شمار سلول های بدنی مربوط به دسامبر (واخر آذر و اوایل دی) و کمترین مربوط به می (واخر خرداد و اوایل تیر) بود.

جدول ۳- میانگین حداقل مربعات و خطای معیار برای سطوح مختلف سال زایش

| SE** | LSM* | تعداد | سال زایش |
|--------|---------------------|-------|----------|
| .۰/۰۵۲ | ۱۰/۹۳۹ ^b | ۲۲۳۵ | ۱۳۸۱ |
| .۰/۰۳۵ | ۱۱/۳۰۳ ^a | ۶۶۸۶ | ۱۳۸۲ |
| .۰/۰۳۲ | ۱۰/۶۴۹ ^c | ۹۳۱۲ | ۱۳۸۳ |
| .۰/۰۲۹ | ۱۰/۴۷۴ ^d | ۱۲۵۳۹ | ۱۳۸۴ |
| .۰/۰۲۷ | ۱۰/۲۷۳ ^e | ۱۶۵۴۴ | ۱۳۸۵ |
| .۰/۰۳۲ | ۹/۹۸۹ ^f | ۷۰۵۸ | ۱۳۸۶ |

(Least square means)

**: خطای معیار (Standard error)

میانگین حداقل مربعات با حروف انگلیسی متفاوت معنی دار هستند ($P<0.0001$)

جدول ۴- میانگین حداقل مربعات و خطای معیار برای سطوح مختلف فصل زایش

| SE | LSM | تعداد | ماه زایش |
|--------|---------------------|-------|----------|
| .۰/۰۳۰ | ۱۰/۶۴۷ ^b | ۱۳۵۴۲ | ۱ |
| .۰/۰۲۹ | ۱۰/۷۰۲ ^a | ۱۳۵۱۴ | ۲ |
| .۰/۰۲۹ | ۱۰/۵۱۳ ^d | ۱۲۸۰۸ | ۳ |
| .۰/۰۲۸ | ۱۰/۵۵۶ ^c | ۱۴۵۱۰ | ۴ |

میانگین حداقل مربعات با حروف انگلیسی متفاوت معنی دار هستند ($P<0.1$)

میانگین نمره سلول های بدنی برای گاوهای هلشتاین ایران (۱۰/۱۷۱ ۲۸۰۳۶۰) سلول در هر میلی لیتر است (جدول ۱). این تعداد سلول در هر میلی لیتر بیشتر از متوسط شمار بدنی برای گاوهای بدون ورم پستان کلینیکی (۲۰۰۰۰) سلول در هر میلی لیتر) می باشد (۱۸). میانگین شمار سلول های بدنی برای گاوهای هلشتاین نسبت به گزارشات مونتالدو و همکاران (۱۳) برای گاوهای مکزیک، رکیک و همکاران (۱۷) برای گاوهای هلشتاین تونس و ادگارد و همکاران برای گاوهای نروژ بیشتر است (۱۵). بیشتر بودن شمار سلول های بدنی برای گاوهای هلشتاین ایران می تواند نشان دهنده مستعد بودن گاوهای ایران برای بیماری ورم پستان باشد. وراثت پذیری برای شمار سلول های بدنی $\pm ۰/۰۸۲ \pm ۰/۰۰۹$ برآورد شد. وراثت پذیری پایین نشان می دهد که نسبت واریانس ژنتیکی به واریانس فنوتیپی بالا نیست. به بیان دیگر قسمت عمده توزع مشاهده

شده است. همانطور که مشاهده می شود گله و سال در سطح احتمال ۰/۰۰۰۱ زایش اثر معنی داری بر نمره سلول های بدنی دارد ($P<0.001$) اما اثر فصل و سن زایش اثر معنی داری بر نمره سلول های بدنی ندارد ($P>0.05$). اثر متقابل بین همه اثرات نیز در سطح احتمال ۰/۰۱ درصد معنی دار است. بایتیکی و همکاران (۳)، اثر سال زایش و گله را بر شمار سلول های بدنی در گاوهای شیری کوزووا معنی دار گزارش کردند. اثر ماه زایش در شمار سلول های گاوهای جرزی ترکیه معنی دار گزارش شد اما در این تحقیق اثر فصل معنی دار نبود این امر می تواند به دلیل متفاوت بودن نژاد یا تفاوت در تنوع شرایط آب و هوایی باشد. در تحقیقات بایتیکی و همکاران (۳)، اثر نژاد نیز معنی دار گزارش شده است. در نتایج رکیک و همکاران (۱۷)، اثر گله، سن در اولین زایش، اثر متقابل گله و سال زایش بر روی شمار سلول های بدنی گاوهای تونس نیز معنی دار گزارش شده اما اثر فصل معنی دار نبود. ضریب تعیین در نتایج رکیک و همکاران (۱۷)، ۴۱ درصد بود که نسبت به نتایج این تحقیق کمتر است.

جدول ۲- اثر عوامل محیطی بر روی نمره سلولهای بدنی

| منابع تغییر | احتمال آماری (P- Value) |
|----------------|-------------------------|
| گله | .۰/۰۰۰۱** |
| سال زایش | .۰/۰۰۰۱** |
| فصل زایش | .۰/۰۵۱۷ns |
| سن زایش | .۰/۵۵۱۷ns |
| گله - سال زایش | .۰/۰۰۰۱** |
| گله - فصل زایش | .۰/۰۰۰۱** |
| فصل - سال زایش | .۰/۰۰۲۰** |

**: معنی دار در سطح احتمال $P<0.001$ ، ns عدم معنی دار

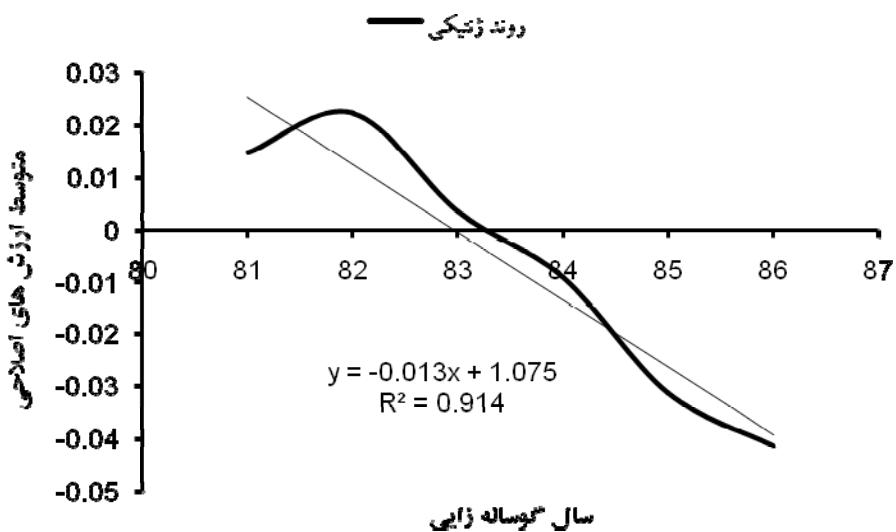
میانگین حداقل مربعات و خطای معیار برای سطوح مختلف سال زایش در جدول ۳ نشان داده شده است. بین سالهای مختلف تفاوت معنی دار مشاهده شد ($P<0.0001$). میانگین حداقل مربعات مربوط به سال ۱۳۸۲ بالاترین مقدار بوده و سال ۱۳۸۶ کمترین مقدار را به خود اختصاص داده است.

جدول ۴ میانگین حداقل مربعات و خطای معیار برای سطوح مختلف فصل زایش را نشان می دهد. فصل تابستان بالاترین میانگین را در بین سایر فصل ها دارد و در سطح احتمال ۱۰ درصد بین فصل های سال تفاوت معنی داری وجود دارد ($P<0.1$). دلیل بالا بودن میانگین نمره سلولهای بدنی در فصل تابستان می تواند به دلیل استفاده از مواد خوارکی با کیفیت بالا در این فصل باشد که باعث افزایش تولید شیر در این فصل شده و به دلیل همبستگی منفی مابین تولید شیر و مقاومت به ورم پستان، مقاومت گاوها به ورم پستان کم

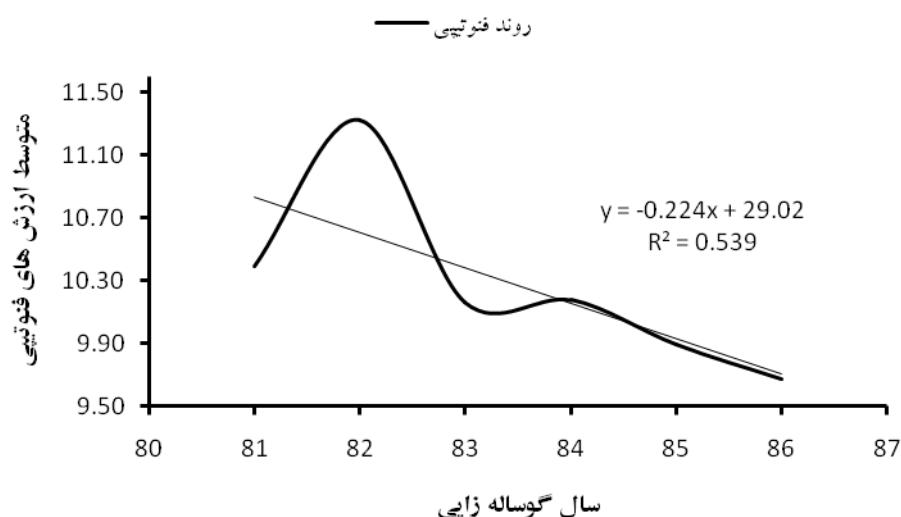
ژنتیکی مثبت برای شمار سلول های بدنه کاوهای نیوزلندر گزارش شده است. روند فنوتیپی برای نمره سلول های بدنه کاوهای هلشتاین ایران روند نامنظمی دارد و سال ۸۲ و ۸۴ به ترتیب بالاترین و کمترین نمره شمار سلول های بدنه را به خود اختصاص داده است. هرچند از سال ۸۴ به بعد روند کاهشی منظمی برای شمار سلول های بدنه کاوهای هلشتاین ایران مشاهده می شود. اما نامنظم بودن روند فنوتیپی کل نشان می دهد که سیاست های اجرا شده در سال های اخیر در بهبود این صفت موفقیت زیادی نداشته است و با وجود منظم بودن روند مناسب ژنتیکی، بهبود پتانسیل ژنتیکی توانسته است در روند فنوتیپی تاثیر کافی داشته باشد. با در نظر نگرفتن سال ۸۴ روند فنوتیپی یک روند خطی را نشان می دهد. بالا بودن روند فنوتیپی ۸۴ می تواند به دلیل تغییرات سیاست های اصلاحی مرکز اصلاح نژاد دام کشور برای گاوهای هلشتاین ایران باشد. این صفت به دلیل داشتن وراثت پذیری کم تحت تاثیر سال عوامل محیطی و مدیریتی می باشد. در مدل برآورد ضریب رگرسیون برای روند ژنتیکی، ضریب تعیین برابر با ۹۱ درصد است که نشان دهنده این است که این مدل به صورت توانسته تغییرات مربوط به روند ژنتیکی را نشان دهد اما برای روند فنوتیپی ضریب تعیین ۵۴ درصد است و نشان می دهد که فقط ۵۴ درصد تغییرات به کمک مدل تعریف شده است و عوامل محیطی موثر در زمان برآورد ضریب رگرسیون برای ارزش های فنوتیپی گنجانده نشده است. ضریب رگرسیون برای روند فنوتیپی نیز کاهشی است (-۰.۲۲۴) و با احتمال ۹۰ درصد معنی دار است ($P<0.1$).

شده برای این صفت در اثر عوامل غیر ژنتیکی است بنابراین لازم است در راستای کاهش شمار سلول‌های بدنی عوامل محیطی کنترل شود. تا امکان استفاده بهتر از پتانسیل ژنتیکی موجود در جامعه نیز مهیا گردد. در تحقیقات رینتس و همکاران (۱۶)، هایل ماریم و همکاران (۱۰)، قوی حسین زاده و اردلان (۹)، صفردری شاهدروی و همکاران (۱)، بختیارزاده و همکاران (۲)، و سنجابی و همکاران (۲۰)، نتایج مشابه برای شمار سلول‌های بدنی گزارش شده است. وراثت پذیری برای شمار سلول‌های بدنی گاوهاهی هلشتاین نروژ، مکزیک و کانادا ۰/۱۱ برآورد شده که نسبت به ۰/۸۲ در این تحقیق بیشتر است (۱۵، ۱۳).

شکل ۱ و تغییرات میانگین ارزش‌های اصلاحی و فنوتیپی نمره سلول‌های بدنی برای گاوهاهی هلشتاین ایران را نشان می‌دهد. روند ژنتیکی بعد از سال ۱۳۸۲ روند کاهشی را نشان می‌دهد به طوریکه برای ۳ سال آخر مقادیر ارزش اصلاحی برای روند ژنتیکی منفی است و می‌تواند ناشی از بهبود ژنتیکی برای این صفت باشد. ضریب رگرسیون ارزش‌های اصلاحی به ازای سال زایش (روند ژنتیکی) -0.013 است این ضریب رگرسیون در سطح احتمال 0.01 متفاوت از صفر است ($P < 0.01$). ضریب رگرسیون برای گاوهاهی هلشتاین نرود نیز -0.026 گزارش شده است که نسبت به برآورد -0.013 در این تحقیق مناسب‌تر است (۱۵). دلیل این امر می‌تواند ناشی از انتخاب ژنتیکی موثرتر برای این صفت با بهبود شرایط محیطی و مدیریتی برای گاوهاهی ایران باشد. در تحقیقات هاریس و ویمکلمن (۱۱)، روند



شکل ۱- روند ژنتیکی برای نمره سلولهای بدنی گاوهاي هلشتاین ایران



شکل ۲- روند فنوتیپی برای نمره سلولهای بدنی گاوها هشتادین ایران

شمار سلولهای بدنی در شیر گاوها هشتادین ایران شده است. روند ژنتیکی و فنوتیپی برای این صفت کاهشی بوده و اگرچه روند ژنتیکی برای میانگین نمره سلولهای بدنی معنی دار است اما مقدار روند ژنتیکی ناچیز است.

تشکر و قدردانی

اطلاعات مورد استفاده در این تحقیق توسط مرکز اصلاح نژاد دام کشور ارائه گردیده است، بدینوسیله نویسندهای مراقب تشرک و قدردانی خود را از مسئولین محترم این مرکز اعلام می‌دارند.

نتیجه گیری

اکثر نتایج گرفته شده برای عوامل محیطی و وراثت پذیری در این مطالعه مطابق با مطالعات قبلی می‌باشد. تاثیر معنی داری برای عوامل محیطی پیشنهاد می‌کند که این عوامل در آنالیز ها مدنظر گرفته شوند. وراثت پذیری پایین برای این صفت بیان کننده این است که انتخاب ژنتیکی برای این صفت موثر نیست و باید برای بهبود این صفت، عوامل محیطی را بهبود داد. متوسط شمار سلولهای بدنی برای گاوها هشتادین ایران نسبت به گاوها های هشتادین کشورهای دیگر بالا بوده که می‌تواند ناشی از این باشد که عوامل محیطی، مدیریتی و تقدیمه برای گاوها های ایران مناسب نبست و این امر باعث افزایش در

منابع

- صفدری شاهروdi, M., U. Pakdel, and S. R. Mirabai. 1389. بررسی شاخص سلامت پستان و مقایسه استراتژی های مختلف انتخاب جهت گنجاندن اطلاعات این صفت در برنامه های اصلاحی گاوها های هشتادین ایران، مجله علوم دامی ایران، شماره ۴، دوره ۴۱، ۳۹۰-۳۸۱.
- Bakhtiarizadeh, M. R., M. Moradi Shahr Babak, and A. Pakdel. 2010. Estimation of udder composite in the Holstein population of Iran. J. Dairy Sci. Vol. 93, E-Suppl.597.
- Bytyqi, H., U. Zaugg., K. Sherifi., A. Hamidi., M. GjonbalajMuje., M. Skender, H. Mehmeti. 2010. Influence of management and physiological factors on somatic cell count in raw cow milk in K. Veterinarski. Archiv.80 (2), 173-183.
- Caraviello, D. Z., K. A. Weigel., G. E. Shook, and P. L. Ruegg. 2005. Assessment of the impact of somatic cell count on functional longevity in Holstein and Jersey cattle using survival analysis methodology. J .Dairy Sci. 88, 804– 811.
- Coulon, J. B., F. Dauver, and J. P. Garel. 1996. Facteurs de variation de la numérationcellulaire du lait chez des vacheslaitièresindemnes de mammitescliniques. INRA Prod. Anim., 9, 133–139.
- Degroot, B. J., J. F. Keown., L. D. Van Vleck, and E. L. Marotz. 2002. Genetic parameters and responses of linear type, yield traits, and somatic cell scores to divergent selection for predicted transmitting ability for type in Holsteins. J. Dairy Sci. 85, 1578–1585.
- Druet, T., F. Jaffrezic, and V. Ducrocq. 2005. Estimation of genetic parameters for test day records of dairy traits in the first three lactations. Genet. Sel. Evol. 37:257-271.

- 8- Gilmour, A. R., B. R. Cullis., S. J. Welham, and R. Thompson. 2000. ASREML Reference manual. <ftp://res.bbsrc.ac.uk/in/pub/aar>.
- 9- Ghavi Hossein- Zadeh, N., and M. Ardalan. 2011. Estimation of genetic parameters for milk urea nitrogen and its relationship with milk constituents in Iranian Holsteins. *Livest. Sci.* 135: 274-281.
- 10- Haile-Mariam, M., J. M. Morton, and M. E. Goddard .2003. Estimates of genetic parameters for fertility traits in Australian Holstein-Friesian cattle. *J. Anim. Sci.* 76:35-42.
- 11- Harris, B. L., and A. M. Winkelman. 2003. TEST-DAY Model for National Genetic Evaluation of SOMATIC CELLCount in New Zealand (www-interbull.slu.se/bulletins/bulletin32/Harris.pdf).
- 12- Miglior, F., E. B. Burnside, and J. C. M. Dekkers. 1995. Non additive genetic effects and inbreeding depression for somatic cell counts in Holstein cattle. *J. Dairy. Sci.* 78: 1168-1173.
- 13- Montaldo, H. H., H. Castillo-Juárez., E. G. Cienfuegos-Riva, and F. J. Ruiz-López. 2010. Genetic and environmental parameters for milk production, udder health, and fertility traits in Mexican Holstein cows. *J. Dairy Sci.* 93:2168-2175.
- 14- Ødegard, J., G. Klemetsdal, and B. Heringstad. 2002. Variance components and genetic trend for somatic cell count in Norwegian cattle. *Livest. Pro. Sci.* 79:135-144.
- 15- Ødegard, J., K. Gunnar, and H. Bjørg. 2003. Variance components and genetic trend for somatic cell count in Norwegian Cattle. *Livest. Prod. Sci.* 79: 135–144.
- 16- Reents, R., J. Jamrozik., L. R. Schaeffer, and J. C. M. Dekkers. 1995. Estimation of genetic parameters for test day records of somatic cell score. *J. Dairy. Sci.* 78:2847-2857.
- 17- Rekik, B., N. Ajili, H. Belhani, A. Ben Gara, and H. Rouissi. 2008. Effect of somatic cell count on milk and protein yields and female fertility in Tunisian Holstein dairy cows. *Livest. Sci.* 11 (6): 309 – 317.
- 18- Rupp, R., D. Boichard., C. Bertrand, and S. Bazin. 2000. Bilan national des numérationscellulairesdans le lait des différentes races bovineslaitièresfrançaises. *INRA Prod. Anim.* 13 (4), 257–267.
- 19- SAS. 2007. SAS OnlineDoc 9.1.3. SAS Institute Inc., Cary, NC, USA.
- 20- Sanjabi, M. R., A. Gholibaigi Fard., R. Vaez Torshizi., A. Lavaf, and A. H. Ahadi. 2010. Genetic relationships between somatic cell count, milk production and udder conformation traits in Iranian Holsteins. . *J. Dairy Sci.* Vol. 93, E-Suppl.598.
- 21- Schukken, Y. H., K. E. Leslie., A. J. Weersink, and S. W. Martin. 1992. Ontario bulk milk somatic cell count program. II. Population dynamics of bulk milk somatic cell counts. *J. Dairy. Sci.* 75: 3359-3366.
- 22- Shook, G. E., and M. M. Schutz. 1993. Selection on somatic cell score to improve resistance to mastitis in the United States. *J. Dairy. Sci.* 77, 648–658.
- 23- Windig, J. J., M. P. L. Calus., B. Beerda, and R. F. Veerkamp. 2006. Genetic correlation between milk production and health and fertility depending on herd environment. *J. Dairy. Sci.* 89, 1765–1775.
- 24- Zhang, W. C., J. C. M. Dekkers., G. Banos, and E. B. Burnside. 1993. Adjustment factor and genetic evaluation for somatic cell score and relationships with other traits in Canadian Holsteins. *J. Dairy. Sci.* 77:659-665.